

BANCO NACIONAL DE LÍNEAS CELULARES (TRONCALES)
National Bank of Stem Cell Lines
IMPRESO DE SOLICITUD DE REGISTRO Y DEPÓSITO DE UNA LÍNEA iPS HUMANA
Application Form to Register and Deposit of an human iPS cell line

FECHA: 15/01/2018

DOCUMENTOS QUE DEBEN ACOMPAÑAR LA SOLICITUD:

Attached documents:

- Copia de la autorización del proyecto en el cual se genera la línea celular, junto con informe favorable del Comité Ético del centro de procedencia.**
A copy of the project authorization in which the cell line is obtained along with a favourable report of the Clinical Research Ethics Committee
- Copia de cualquier publicación científica relacionada con la línea iPS generada.**
A copy of any relevant published scientific papers related to the iPS cell line generated
- C. V. del investigador principal (una página; formato libre).**
A one page CV for the Principal Investigator

SECCIÓN 1-INFORMACIÓN DE LA MUESTRA ORIGINAL Y DE LA iPS GENERADA.

Section 1-Information of the original cell line and the generated iPS

Nombre de la línea iPS <i>Name of the iPS line:</i>	IDISi001-A IDISi001-A
Muestra original donada. Detallar tipo de célula, tejido de origen y localización anatómica de la muestra biológica de la que se obtiene la línea original. Si son células comerciales, detallar nombre, referencia y distribuidor comercial <i>Original sample donated. Detail cell type, tissue of origin and anatomic location of the biological sample from which the original line is obtained. If cells are commercial, detail name, reference and trade distributor.</i>	Muestra original donada: Sangre periférica. Tipo celular, tejido y localización: Célula mononuclear de sangre periférica. Original sample donated: Peripheral blood Cell type, tissue and location: Peripheral blood mononuclear cells.
Sexo y edad del donante. <i>Sex and age of the donor</i>	Varón 67 Male 67
¿El donante tiene alguna patología? <i>Has the donor any pathological condition?</i>	NO <input type="checkbox"/> SÍ <input checked="" type="checkbox"/> (especificar) CADASIL No Yes (specify)
¿La patología es de origen genético? <i>Is the pathological condition of genetic origin?</i>	NO <input type="checkbox"/> SÍ <input checked="" type="checkbox"/> (especificar) Arg1242Cys/normal Exon 23 NOTCH3. 19p13.12 No Yes (specify)

Muestra biológica recibida <i>Biological sample</i>	Fresco <input checked="" type="checkbox"/> Fresco <i>Fresh</i>	Crioconservado <input type="checkbox"/> <i>Cryopreserved</i>
Fecha de la donación de la muestra biológica <i>Date of donation of the biological sample</i>	Fecha del uso o descongelación <i>(si congelado)</i> <i>Date used or thawed (if frozen)</i> 22/03/2017	
Condiciones de cultivo de las células de origen (células somáticas/cultivo primario). <i>Culture conditions of the original cells (somatic cells / primary culture)</i>	Cultivo primario. Muestra de sangre periférica con menos de 24 horas desde la extracción hasta su manipulación. Medio de cultivo: StemPro 34 SFM con L-Glutamina (2mM), P/S (1%). Echar StemSpanCC100 (StemCell Tech.) al 1% cada vez que se use el medio. Primary culture. Peripheral blood sample with less than 24 hours from extraction to its manipulation . Culture medium: StemPro 34 SFM with L-Glutamine (2mM), P/S(1%). Use StemSpanCC100 (StemCell Tech) 1% everytime medium is used.	
Identificación celular: Huella genética por análisis de microsatélites/STR de las células de origen <i>Cell Identity: Genetic fingerprinting by microsatellite analysis / STR of the original cells.</i>	Si. Combinación de 10 STRs habituales a la hora de realizar análisis de huella genética. Yes. Combination of 10 usual STRs when performing a human fingerprinting by STRs.	
¿Hay disponibilidad de viales congelados de las células de origen? ¿En qué pase? <i>Is there availability of frozen vials of original cells? At what passage?</i>	No No	
Método utilizado en la generación de la línea iPSc. (Integrativa/ No-integrativa) Especificar factores y plásmidos de reprogramación utilizados. <i>Method used for the generation of iPSC line (Integrative / Non-integrative) Specify factors and plasmids used for reprogramming</i>	Método No-integrativo mediante infección por virus Sendai (CytoTune-iPS 2.0 Sendai Reprogramming Kit (Invitrogen)). Se utilizaron un plásmido portador de Klf4, Oct4 y Sox2 a un MOI=5; otro plásmido portador de c-Myc a un MOI=5 y otro plásmido portador de más Klf4 a un MOI de 3. Non-integrative method by Sendai virus infection (cytotune-iPS 2.0 Sendai Reprogramming Kit (Invitrogen)). Three plasmids were used. One carrying Klf4, Oct4 and Sox2 at a MOI=5; another plasmid carrying c-Myc at MOI=5 and a third plasmid carrying more Klf4 at MOI=3.	
Condiciones de cultivo de la línea de iPSc generada. (si se describen en publicación, indicar referencia) <i>iPSC Culture conditions (if they are described in a publication, please indicate the reference)</i>	iPSCs cultivadas en medio mTeSR1 (StemCell Tech). Primer y segundo pase, las células se cultivaron en placas de 12. En el tercer pase, se cultivaron en placas de 6 pocillos, y a partir del cuarto pase, cultivadas en Petris de 35mm. Todos los pocillos y placas fueron recubiertos con Matrigel™ (Corning). Para el primer y segundo pase, las colonias fueron seleccionadas y recogidas con la ayuda de una Origio Stripper (Origio) con puntas Stripper (Origio) de 175µm de diámetro. Los siguientes pases se realizaron mecánicamente, con ayuda de un cell lifter. Cells were cultured in mTeSR1 media (StemCell Technologies). On the first and second passage, cells were maintained into wells of a 12-well plate. On the third passage, they were cultured into wells of a 6-well plate, and from passage four and next, they were cultured into 35 mm Petri dishes. All wells and dishes were coated with Matrigel™ matrix (Corning). For the first and second passages, colonies were selected and picked with the help of an Origio Stripper (Origio) with Stripper tips (Origio) of 175µm of diameter. Later passages were performed mechanically, using cell lifters.	

<p>Descripción de las características morfológicas de la línea en cultivo (forma y tamaño colonias; forma y tamaño células; ratio núcleo/citoplasma; otros) <i>Description of the morphological characteristics of the line in culture (form and size of the colonies; form and size of the cells; nucleus/cytoplasm ratio; others)</i></p>	<p>Colonias redondeadas de unas 20-30 células el primer día después del pase y muy grandes ya a los 5-7 días, con crecimiento en 2D y borde refractario. Células redondeadas, pequeñas, con ratio núcleo/citoplasma muy alto, núcleo visible. Crecen compactas, sin dejar huecos entre ellas. Round-shaped colonies, with 20-30 cells per colony at the first day after passage and quite big at day 5-7, growing in 2D and with refractory edges. Small round-shaped cells, with high nucleus/cytoplasm ratio and visible nucleus. Compact growth, with no gaps between them.</p>
<p>Criopreservación de la línea celular (Describir método de congelación/descongelación) <i>Cryopreservation of the cell line (Describe freezing / thawing method)</i></p>	<p>En medio de congelado BAMBANKER (NipponGenetics). Se cortan las colonias y se levantan las células, se centrifugan a 1000 rpm, 4' a 24°C, se resuspende el pellet en 1mL de BAMBANKER. El criovial se almacena a -80°C en isopentano durante un día y posteriormente se guardan en un tanque de nitrógeno líquido. Freezing medium: BAMBANKER. Colonies are cut and lifted, and centrifuged at 1000 rpm, 4', 24°C. Pellet resuspended in 1mL of BAMBANKER. Criovial stored at -80°C with isopentane and moved on the next day to a liquid N2 container.</p>
<p>Pase de la línea celular en el momento del banqueo/registro. (Máximo: Pase 15) <i>Passage at the time of the banking/registration (Max: Passage 15)</i></p>	<p>Varios viales con colonias de Pase<15 (anotado individualmente en cada vial) Several vials with colonies of Passage<15 (noted individually on each vial)</p>
<p>¿Ha sido la línea modificada genéticamente? <i>Has the line been genetically modified?</i> Sí Yes <input type="checkbox"/> No No <input checked="" type="checkbox"/></p> <p>Comentarios/ Comments:</p>	<p>¿Se llevó a cabo un análisis clonal? <i>Has a clonal analysis been carried out?</i> Sí/ Yes <input type="checkbox"/> No <input checked="" type="checkbox"/> Resultado / Result</p>

SECCIÓN 2 RESULTADOS DE LA CARACTERIZACIÓN DE LA LÍNEA iPS.
Adjuntar resultados (imágenes o gráficos) como anexo

Section 2 iPS Cell Line characterization results. Attach results (images and graphics) as an annex

<p>Test de pluripotencia <i>Pluripotency test</i></p>	<table border="1"> <thead> <tr> <th data-bbox="446 448 558 504"></th> <th data-bbox="558 448 861 504">Método <i>Method</i></th> <th data-bbox="861 448 1021 504">Nº pase <i>Passage n.</i></th> <th data-bbox="1021 448 1181 504">Resultado <i>Results</i></th> <th data-bbox="1181 448 1372 504">Comentarios <i>Comments</i></th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td data-bbox="446 560 558 593">Oct 4</td> <td data-bbox="558 560 861 593">Inmuno + qPCR.</td> <td data-bbox="861 560 1021 593">Pas. 10</td> <td data-bbox="1021 560 1181 593">Positivo/positive</td> <td data-bbox="1181 560 1372 593"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 616 558 649">Nanog</td> <td data-bbox="558 616 861 649">Inmuno + qPCR.</td> <td data-bbox="861 616 1021 649">Pas. 10</td> <td data-bbox="1021 616 1181 649">Positivo/positive</td> <td data-bbox="1181 616 1372 649"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 672 558 705">Sox 2</td> <td data-bbox="558 672 861 705">Inmuno + qPCR.</td> <td data-bbox="861 672 1021 705">Pas. 10</td> <td data-bbox="1021 672 1181 705">Positivo/positive</td> <td data-bbox="1181 672 1372 705"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 728 558 761">SSEA3</td> <td data-bbox="558 728 861 761">No realizado/Not performed</td> <td data-bbox="861 728 1021 761"></td> <td data-bbox="1021 728 1181 761"></td> <td data-bbox="1181 728 1372 761"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 784 558 817">SSEA4</td> <td data-bbox="558 784 861 817">Inmuno</td> <td data-bbox="861 784 1021 817">Pas. 10</td> <td data-bbox="1021 784 1181 817">Positivo/positive</td> <td data-bbox="1181 784 1372 817"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 840 558 873">TRA-1-60</td> <td data-bbox="558 840 861 873">Inmuno</td> <td data-bbox="861 840 1021 873">Pase 10</td> <td data-bbox="1021 840 1181 873">Positivo/positive</td> <td data-bbox="1181 840 1372 873"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 896 558 929">TRA-1-81</td> <td data-bbox="558 896 861 929">No realizado/not performed</td> <td data-bbox="861 896 1021 929"></td> <td data-bbox="1021 896 1181 929"></td> <td data-bbox="1181 896 1372 929"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 952 558 985">Fosfatasa. Alk</td> <td data-bbox="558 952 861 985">Realizado/performed</td> <td data-bbox="861 952 1021 985">Pas. 6</td> <td data-bbox="1021 952 1181 985">Positivo/positive</td> <td data-bbox="1181 952 1372 985"></td> </tr> </tbody> </table>		Método <i>Method</i>	Nº pase <i>Passage n.</i>	Resultado <i>Results</i>	Comentarios <i>Comments</i>	Oct 4	Inmuno + qPCR.	Pas. 10	Positivo/positive		Nanog	Inmuno + qPCR.	Pas. 10	Positivo/positive		Sox 2	Inmuno + qPCR.	Pas. 10	Positivo/positive		SSEA3	No realizado/Not performed				SSEA4	Inmuno	Pas. 10	Positivo/positive		TRA-1-60	Inmuno	Pase 10	Positivo/positive		TRA-1-81	No realizado/not performed				Fosfatasa. Alk	Realizado/performed	Pas. 6	Positivo/positive	
	Método <i>Method</i>	Nº pase <i>Passage n.</i>	Resultado <i>Results</i>	Comentarios <i>Comments</i>																																										
Oct 4	Inmuno + qPCR.	Pas. 10	Positivo/positive																																											
Nanog	Inmuno + qPCR.	Pas. 10	Positivo/positive																																											
Sox 2	Inmuno + qPCR.	Pas. 10	Positivo/positive																																											
SSEA3	No realizado/Not performed																																													
SSEA4	Inmuno	Pas. 10	Positivo/positive																																											
TRA-1-60	Inmuno	Pase 10	Positivo/positive																																											
TRA-1-81	No realizado/not performed																																													
Fosfatasa. Alk	Realizado/performed	Pas. 6	Positivo/positive																																											
<p>Test de diferenciación in vitro <i>In vitro differentiation test</i></p>	<table border="1"> <thead> <tr> <th data-bbox="446 1075 558 1153"></th> <th data-bbox="558 1075 734 1153">Método <i>Method</i></th> <th data-bbox="734 1075 861 1153">Marcador <i>Marker</i></th> <th data-bbox="861 1075 1021 1153">Nº pase <i>Passage n</i></th> <th data-bbox="1021 1075 1181 1153">Resultado <i>Results</i></th> <th data-bbox="1181 1075 1372 1153">Comentarios <i>Comments</i></th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td data-bbox="446 1220 558 1288">Ectodermo <i>Ectoderm</i></td> <td data-bbox="558 1220 734 1288">Cuerpos embrionarios.</td> <td data-bbox="734 1220 861 1288">Nestina.</td> <td data-bbox="861 1220 1021 1288">P15.</td> <td data-bbox="1021 1220 1181 1288">Positivo</td> <td data-bbox="1181 1220 1372 1288"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 1310 558 1377">Mesodermo <i>Mesoderm</i></td> <td data-bbox="558 1310 734 1377">Cuerpos embrionarios.</td> <td data-bbox="734 1310 861 1377">Vimentina.</td> <td data-bbox="861 1310 1021 1377">P15.</td> <td data-bbox="1021 1310 1181 1377">Positivo</td> <td data-bbox="1181 1310 1372 1377"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="446 1400 558 1467">Endoderm <i>Endoderm</i></td> <td data-bbox="558 1400 734 1467">Cuerpos embrionarios.</td> <td data-bbox="734 1400 861 1467">FOXA2.</td> <td data-bbox="861 1400 1021 1467">P15.</td> <td data-bbox="1021 1400 1181 1467">Positivo</td> <td data-bbox="1181 1400 1372 1467"></td> </tr> </tbody> </table>		Método <i>Method</i>	Marcador <i>Marker</i>	Nº pase <i>Passage n</i>	Resultado <i>Results</i>	Comentarios <i>Comments</i>	Ectodermo <i>Ectoderm</i>	Cuerpos embrionarios.	Nestina.	P15.	Positivo		Mesodermo <i>Mesoderm</i>	Cuerpos embrionarios.	Vimentina.	P15.	Positivo		Endoderm <i>Endoderm</i>	Cuerpos embrionarios.	FOXA2.	P15.	Positivo																						
	Método <i>Method</i>	Marcador <i>Marker</i>	Nº pase <i>Passage n</i>	Resultado <i>Results</i>	Comentarios <i>Comments</i>																																									
Ectodermo <i>Ectoderm</i>	Cuerpos embrionarios.	Nestina.	P15.	Positivo																																										
Mesodermo <i>Mesoderm</i>	Cuerpos embrionarios.	Vimentina.	P15.	Positivo																																										
Endoderm <i>Endoderm</i>	Cuerpos embrionarios.	FOXA2.	P15.	Positivo																																										
<p>Descripción de las características de diferenciación in vitro <i>(espontánea/inducida)</i></p> <p><i>Description of the differentiation characteristics in vitro (spontaneous/induced)</i></p>	<p>Formación de cuerpos embrionarios inducida usando un medio específico (DMEM-F12 con Glutamax, FBS 20%, non-essential aminoacids 1X (Gibco), P/S 1X y β-mercaptoethanol 50 mM (Gibco)) en placas no adherentes. Además el primer día de formación se añadió Rock Inhibitor (StemCell Technologies) 10uM. La diferenciación fue espontánea, con el mismo medio pero en placas de adherencia.</p> <p>Embryoid bodies formation induced with a specific media (DMEM-F12 with Glutamax, FBS 20%, non-essential aminoacids 1X (Gibco), P/S 1X and β-mercaptoethanol 50 mM (Gibco), in ultra-low attachment plates. Also, 10uM Rock Inhibitor (StemCell Technologies) was added the first day of induction. Differentiation occurred spontaneously, using the same media, but within adherent plates.</p>																																													

Test de diferenciación in vivo <i>In vivo differentiation test</i>	<table border="1"> <thead> <tr> <th data-bbox="443 232 603 293">Comentarios</th> <th data-bbox="603 232 735 293">Método</th> <th data-bbox="735 232 868 293">Marcador</th> <th data-bbox="868 232 1023 293">Nº pase</th> <th data-bbox="1023 232 1385 293">Resultado</th> </tr> <tr> <td></td> <td data-bbox="603 293 735 322"><i>Method</i></td> <td data-bbox="735 293 868 322"><i>Marker</i></td> <td data-bbox="868 293 1023 322"><i>Passage n</i></td> <td data-bbox="1023 293 1385 322"><i>Results</i></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 351 603 412">Ectodermo</td> <td colspan="4" data-bbox="603 351 1385 412">No realizado/Not performed</td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 412 603 441"><i>Ectoderm</i></td> <td colspan="4"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 448 603 508">Mesodermo</td> <td colspan="4" data-bbox="603 448 1385 508">No realizado/Not performed</td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 508 603 537"><i>Mesoderm</i></td> <td colspan="4"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 544 603 604">Endodermo</td> <td colspan="4" data-bbox="603 544 1385 604">No realizado/Not performed</td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 604 603 633"><i>Endoderm</i></td> <td colspan="4"></td> </tr> </thead> </table>	Comentarios	Método	Marcador	Nº pase	Resultado		<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n</i>	<i>Results</i>	Ectodermo	No realizado/Not performed				<i>Ectoderm</i>					Mesodermo	No realizado/Not performed				<i>Mesoderm</i>					Endodermo	No realizado/Not performed				<i>Endoderm</i>				
Comentarios	Método	Marcador	Nº pase	Resultado																																					
	<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n</i>	<i>Results</i>																																					
Ectodermo	No realizado/Not performed																																								
<i>Ectoderm</i>																																									
Mesodermo	No realizado/Not performed																																								
<i>Mesoderm</i>																																									
Endodermo	No realizado/Not performed																																								
<i>Endoderm</i>																																									
Descripción de las características de diferenciación <i>in vivo</i> <i>Description of the differentiation characteristics in vivo</i>	N/A																																								
Cariotipo (especificar fórmula cariotípica y pase) <i>Karyotype (Specify karyotype formula and passage)</i>	Fórmula: 46,XY. Pase 15 29 Metafasas analizadas. Sin anomalías. Formula: 46, XY Passage 15 29 analyzed metaphases, no anomalies.																																								
Identificación celular: Huella genética por análisis de microsatélites/STR de la línea celular <i>Cell Identity: Genetic fingerprinting by microsatellite analysis / STR of the cell line</i>	Si. Combinación de 10 STRs habituales a la hora de realizar análisis de huella genética. La misma combinación que para las células de origen. Yes. Combination of 10 usual STRs when performing a fingerprinting by STRs. Same combination as for the original cells.																																								
Test de integración (detallar método utilizado según tipo de reprogramación celular) <i>Integration Test (specify method depending on cell reprogramming)</i>	Realizado por PCR. Al día siguiente de la infección con Sendai Virus se le extrajo el RNA a las PBMCs. Se realizó una retrotranscripción para posteriormente realizar una PCR para el fragmento vírico. Después se realizó una electroforesis en gel de agarosa al 2.5% y se reveló bajo luz UV. Como control negativo se utilizó un línea de fibroblastos humanos no infectada. Performed by PCR. The next day after Sendai Virus infection, RNA was extracted from PBMCs. RT-PCR was done to subsequently perform a PCR for the viric fragment. After that, an electrophoresis was run in a 2.5% agarose gel and revealed with UV. A non-infected human fibroblast cell line was used as negative control.																																								

<p>Test de silenciamiento (detallar método utilizado según tipo de reprogramación celular) <i>Silencing Test (specify method used depending on cell reprogramming)</i></p>	<p>Realizado por PCR. A pase 5 se extrajo RNA de varios clones. Se realizó retrotranscripción y PCR. Se corrieron las muestras en un gel de agarosa al 2.5% y se reveló bajo luz UV. Como control positivo se empleó una muestra de otra línea de fibroblastos humanos infectados. By PCR. RNA from several clones was extracted. RT-PCR and PCR were performed and samples were run in a 2.5% agarose gel and revealed with UV. An infected human fibroblast cell line by Sendai Virus was used as positive control.</p>
<p>Confirmación del diagnóstico genotípico en las iPSC generadas a partir de muestras con mutación genética <i>Confirmation of genotypic diagnosis of the cell line generated from samples with genetic mutation</i></p>	<p>El fragmento de NOTCH3 que contenía la mutación fue amplificado por PCR. Las muestras fueron secuenciadas por New Generation Sequencing usando un analizador SOLID 5500XL. El resultado fue contrastado con la secuenciación previa del mismo fragmento de las PBMCs originales y de un control sano (también PBMCs). NOTCH3 fragment containing the mutation was amplified by PCR. The samples were sequenced by New Generation Sequencing using a SOLID 5500XL genetic analyzer. The result was contrasted against the previous sequencing of the same fragment in the PBMCs (original cell line) and against a healthy control (also PBMCs).</p>
<p>Test de micoplasma <i>Mycoplasma Test</i></p>	<p>Se realizó por amplificación por PCR y electroforesis, a través de un servicio externo al laboratorio que proporcionó los primers. Performed by PCR amplification and electrophoresis, through an external service that provided the Mycoplasma primers.</p>

SECCIÓN 3 DATOS DEL DEPOSITANTE
Section 3 Applicant Details

<p>Investigador Principal: <i>Principal Investigator:</i> Dr. Francisco Campos Pérez</p>	<p>Dirección Postal: <i>Postal address:</i> Travesía da Choupana s/n, 15706.</p>
<p>Centro de Trabajo: <i>Institution:</i> Instituto de Investigación Sanitaria de Santiago de Compostela (IDIS) Health Research Institute of Santiago de Compostela</p>	<p>Teléfono (phone): +34 981951086 Fax: +34 981951098 E-mail: francisco.campos.perez@sergas.es</p>

SECCIÓN 4 INFORMACIÓN ADICIONAL (OPCIONAL)
Section 4 Additional information (optional)

Otras observaciones o información relevantes (a juicio del Investigador Principal):
Other observations or relevant information (to the discretion of the Principal Investigator):
No hay ninguna observación o información relevante a mayores.
There are no more observations or information to note.

Otras observaciones o información relevantes (a rellenar por el BNLC):
Other comments or relevant information (to be completed by BNLC)

Seguimiento de la línea (a rellenar por el BNLC):
Follow up of the line (to be completed by BNLC)

SECCIÓN 5 DECLARACIÓN

Confirmo que la información contenida en estos impresos es cierta y asumo total responsabilidad sobre la misma.

I confirm that the information contained in this form is true and I assume total responsibility for it.

Firma en Representación del Centro / Signature in Representation of the Centre <i>(Representante legal del Departamento/Centro)</i> <i>Legal Representative of the Department/Centre</i>  Fecha/ Date: 15/01/2018	Firma del Investigador Principal <i>Signature of the Principal Investigator</i>  Fecha /Date 15/01/2018
Nombre y Cargo de la Persona Representante del Centro: <i>Name and Position of the Person Representing the Centre:</i> JOSE CASTILLO SANCHEZ, DIRECTOR CIENTIFICO DEL IDIS	
Dirección Postal: <i>Postal Address:</i> Clinical Neurosciences Research Laboratory (LINC) Health Research Institute of Santiago de Compostela (IDIS) Clinical University Hospital (CHUS), SERGAS Travesía da Choupana, s/n, Santiago de Compostela E15706 A Coruña, Spain	Teléfono /Telephone: +34 981951097 Fax: +34 981951086 E-mail: francisco.campos.perez@sergas.es