

**BANCO NACIONAL DE LÍNEAS CELULARES (TRONCALES)**  
*National Bank of Stem Cell Lines*  
**IMPRESO DE SOLICITUD DE REGISTRO Y DEPÓSITO DE UNA LÍNEA iPS HUMANA**  
*Application Form to Register and Deposit of an human iPS cell line*

**FECHA:** Octubre 2017

**DOCUMENTOS QUE DEBEN ACOMPAÑAR LA SOLICITUD:**

*Attached documents:*

- Copia de la autorización del proyecto en el cual se genera la línea celular, junto con informe favorable del Comité Ético del centro de procedencia.**  
*A copy of the project authorization in which the cell line is obtained along with a favourable report of the Clinical Research Ethics Committee*
- Copia de cualquier publicación científica relacionada con la línea iPS generada.**  
*A copy of any relevant published scientific papers related to the iPS cell line generated*
- C. V. del investigador principal (una página; formato libre).**  
*A one page CV for the Principal Investigator*

**SECCIÓN 1-INFORMACIÓN DE LA MUESTRA ORIGINAL Y DE LA iPS GENERADA.**

*Section 1-Information of the original cell line and the generated iPS*

<b>Nombre de la línea iPS</b> <i>Name of the iPS line:</i>	PCCA23-FiPS4F6
<b>Muestra original donada. Detallar tipo de célula, tejido de origen y localización anatómica de la muestra biológica de la que se obtiene la línea original. Si son células comerciales, detallar nombre, referencia y distribuidor comercial</b> <i>Original sample donated. Detail cell type, tissue of origin and anatomic location of the biological sample from which the original line is obtained. If cells are commercial, detail name, reference and trade distributor.</i>	Fibroblastos de paciente, obtenidos de la parte posterior del muslo.  Patients-derived fibroblasts, isolated from thigh back.
<b>Sexo y edad del donante.</b> <i>Sex and age of the donor</i>	Femenino      11 años Female          11 years
<b>¿El donante tiene alguna patología?</b> <i>Has the donor any pathological condition?</i>	<b>NO</b> <input type="checkbox"/> <b>SÍ</b> <input checked="" type="checkbox"/> (especificar) Acidemia propiónica Propionic acidemia  No                      Yes      (specify)
<b>¿La patología es de origen genético?</b> <i>Is the pathological condition of genetic origin?</i>	<b>NO</b> <input type="checkbox"/> <b>SÍ</b> <input checked="" type="checkbox"/> (especificar) Mutaciones en el gen PCCA Mutations in PCCA gene: c.1899+4_1899+7delAGTA; p.(Cys616_Val633del) and c.1430-?_1643+?del; p.(Gly477Gluufs*9)

	No	Yes (specify)
<b>Muestra biológica recibida</b> <i>Biological sample</i>	<b>Fresco</b> <input checked="" type="checkbox"/> <i>Fresh</i>	<b>Crioconservado</b> <input type="checkbox"/> <i>Cryopreserved</i>
<b>Fecha de la donación de la muestra biológica</b> <i>Date of donation of the biological sample</i>	<b>Fecha del uso o descongelación</b> ( <i>si congelado</i> ) <i>Date used or thawed (if frozen)</i> Septiembre del 2006 September, 2006	
<b>Condiciones de cultivo de las células de origen (células somáticas/cultivo primario).</b> <i>Culture conditions of the original cells (somatic cells / primary culture)</i>	Cultivo primario de fibroblastos. Los fibroblastos se han mantenido en MEM 10% suero, glutamina y antibióticos.  Fibroblasts primary culture. Fibroblasts were maintained in MEM 10% serum, glutamine and antibiotics.	
<b>¿Hay disponibilidad de viales congelados de las células de origen? ¿En qué pase?</b> <i>Is there availability of frozen vials of original cells? At what passage?</i>	Si, pases 3 y 6.  Yes, passages 3 and 6.	
<b>Método utilizado en la generación de la línea iPSc. (Integrativa/ No-integrativa) Especificar factores y plásmidos de reprogramación utilizados.</b> <i>Method used for the generation of iPSC line (Integrative / Non-integrative) Specify factors and plasmids used for reprogramming</i>	No integrativa. Virus Sendai (CytoTune-iPS 2.0 Sendai reprogramming Kit, Invitrogen). Se han usado los factores de reprogramación: Oct3/4, Sox2, Klf4 y cMyc.  Non integrative methodology that involves the use of Sendai virus (CytoTune-iPS 2.0 Sendai reprogramming kit, Invitrogen). Oct3/4, Sox2, Klf4 and cMyc have been used as reprogramming factors.	
<b>Condiciones de cultivo de la línea de iPSc generada. (si se describen en publicación, indicar referencia)</b> <i>iPSC Culture conditions (if they are described in a publication, please indicate the reference)</i>	El protocolo que se ha seguido para cultivar y mantener las células iPS de la línea generada ha sido el descrito en la publicación: "A protocol describing the genetic correction of somatic human cells and subsequent generation of iPS cells". Angel Raya et al. Nature protocols vol5, no 4, 2010 647-660.  Culture conditions are described in "A protocol describing the genetic correction of somatic human cells and subsequent generation of iPS cells". Angel Raya et al. Nature protocols vol5, no 4, 2010 647-660.	
<b>Descripción de las características morfológicas de la línea en cultivo (forma y tamaño colonias; forma y tamaño células; ratio núcleo/citoplasma; otros)</b> <i>Description of the morphological characteristics of the line in culture (form and size of the colonies; form and size of the cells; nucleus/cytoplasm ratio; others)</i>	Las características morfológicas de la línea generada son las características típicas de las células iPS. Borde muy bien definido, ratio/núcleo/citoplasma grande, prominentes nucleolos.  The generated iPSCs present a typical ES cell colony morphology (high ratio nucleus/cytoplasm, prominent nucleoli).	

<p><b>Criopreservación de la línea celular (Describir método de congelación/descongelación)</b>  <i>Cryopreservation of the cell line (Describe freezing / thawing method)</i></p>	<p>El método de congelación/descongelación es el detallado en el kit CytoTune-iPS 2.0 Sendai reprogramming Kit. Para la congelación, se pican las colonias y se añaden en un tubo con medio de iPSC, se centrifuga y el pellet de cells se resuspende en primer lugar en medio/suero, y posteriormente en medio/DMSO (previamente mantenido en frío). Se congelan con la ayuda de Mr. Frosty o/n y al día siguiente se llevan al nitrógeno. Para descongelar se usa el medio de iPSC que contiene Rho/Rock pathway inhibitor para prevenir la apoptosis.</p> <p>For cryopreserving the iPSC, the protocol described in the manual of the CytoTune-iPS 2.0 Sendai reprogramming kit has been followed.</p>
<p><b>Pase de la línea celular en el momento del banco/registro. (Máximo: Pase 15)</b>  <i>Passage at the time of the banking/registration (Max: Passage 15)</i></p>	<p>Hay iPSC congeladas en distintos tiempos (Pase 8)</p> <p>Several iPSC stocks freezed at different moments and passages are available (passage 8).</p>
<p><b>¿Ha sido la línea modificada genéticamente?</b>  <i>Has the line been genetically modified?</i>  <b>Sí</b> Yes <input type="checkbox"/>    <b>No</b> No <input checked="" type="checkbox"/></p> <p><b>Comentarios/ Comments:</b></p>	<p><b>¿Se llevó a cabo un análisis clonal?</b>  <i>Has a clonal analysis been carried out?</i>  <b>Sí/ Yes</b> <input type="checkbox"/>    <b>No</b> <input checked="" type="checkbox"/>    <b>Resultado / Result</b></p>

**SECCIÓN 2 RESULTADOS DE LA CARACTERIZACIÓN DE LA LÍNEA iPS.**  
**Adjuntar resultados (imágenes o gráficos) como anexo**

*Section 2 iPS Cell Line characterization results. Attach results (images and graphics) as an annex*

<p><b>Test de pluripotencia</b> <i>Pluripotency test</i></p>	<table border="1"> <thead> <tr> <th data-bbox="443 416 587 450"><b>Método</b></th> <th data-bbox="587 416 746 450"><b>Marcador</b></th> <th data-bbox="746 416 922 450"><b>Nº pase</b></th> <th data-bbox="922 416 1233 450"><b>Resultado</b></th> <th data-bbox="1233 416 1436 450"><b>Comentarios</b></th> </tr> <tr> <th data-bbox="443 450 587 506"><i>Method</i></th> <th data-bbox="587 450 746 506"><i>Marker</i></th> <th data-bbox="746 450 922 506"><i>Passage n.</i></th> <th data-bbox="922 450 1233 506"><i>Results</i></th> <th data-bbox="1233 450 1436 506"><i>Comments</i></th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td data-bbox="443 562 587 595"><b>Oct 4</b></td> <td data-bbox="587 562 746 595">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 562 922 595">10</td> <td data-bbox="922 562 1233 595">+</td> <td data-bbox="1233 562 1436 595"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 618 587 651"><b>Nanog</b></td> <td data-bbox="587 618 746 651">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 618 922 651">10</td> <td data-bbox="922 618 1233 651">+</td> <td data-bbox="1233 618 1436 651"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 674 587 707"><b>Sox 2</b></td> <td data-bbox="587 674 746 707">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 674 922 707">10</td> <td data-bbox="922 674 1233 707">+</td> <td data-bbox="1233 674 1436 707"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 730 587 763"><b>SSEA3</b></td> <td data-bbox="587 730 746 763">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 730 922 763">10</td> <td data-bbox="922 730 1233 763">+</td> <td data-bbox="1233 730 1436 763"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 786 587 819"><b>SSEA4</b></td> <td data-bbox="587 786 746 819">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 786 922 819">10</td> <td data-bbox="922 786 1233 819">+</td> <td data-bbox="1233 786 1436 819"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 842 587 875"><b>TRA-1-60</b></td> <td data-bbox="587 842 746 875">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 842 922 875">10</td> <td data-bbox="922 842 1233 875">+</td> <td data-bbox="1233 842 1436 875"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 898 587 931"><b>TRA-1-81</b></td> <td data-bbox="587 898 746 931">RNA/protein</td> <td data-bbox="746 898 922 931">10</td> <td data-bbox="922 898 1233 931">+</td> <td data-bbox="1233 898 1436 931"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 954 587 987"><b>Fosfatasa. Alk</b></td> <td data-bbox="587 954 746 987">Protein</td> <td data-bbox="746 954 922 987">10</td> <td data-bbox="922 954 1233 987">+</td> <td data-bbox="1233 954 1436 987"></td> </tr> </tbody> </table>	<b>Método</b>	<b>Marcador</b>	<b>Nº pase</b>	<b>Resultado</b>	<b>Comentarios</b>	<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n.</i>	<i>Results</i>	<i>Comments</i>	<b>Oct 4</b>	RNA/protein	10	+		<b>Nanog</b>	RNA/protein	10	+		<b>Sox 2</b>	RNA/protein	10	+		<b>SSEA3</b>	RNA/protein	10	+		<b>SSEA4</b>	RNA/protein	10	+		<b>TRA-1-60</b>	RNA/protein	10	+		<b>TRA-1-81</b>	RNA/protein	10	+		<b>Fosfatasa. Alk</b>	Protein	10	+	
<b>Método</b>	<b>Marcador</b>	<b>Nº pase</b>	<b>Resultado</b>	<b>Comentarios</b>																																															
<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n.</i>	<i>Results</i>	<i>Comments</i>																																															
<b>Oct 4</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>Nanog</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>Sox 2</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>SSEA3</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>SSEA4</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>TRA-1-60</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>TRA-1-81</b>	RNA/protein	10	+																																																
<b>Fosfatasa. Alk</b>	Protein	10	+																																																
<p><b>Test de diferenciación in vitro</b> <i>In vitro differentiation test</i></p>	<table border="1"> <thead> <tr> <th data-bbox="443 1088 587 1122"><b>Método</b></th> <th data-bbox="587 1088 746 1122"><b>Marcador</b></th> <th data-bbox="746 1088 922 1122"><b>Nº pase</b></th> <th data-bbox="922 1088 1233 1122"><b>Resultado</b></th> <th data-bbox="1233 1088 1436 1122"><b>Comentarios</b></th> </tr> <tr> <th data-bbox="443 1122 587 1178"><i>Method</i></th> <th data-bbox="587 1122 746 1178"><i>Marker</i></th> <th data-bbox="746 1122 922 1178"><i>Passage n</i></th> <th data-bbox="922 1122 1233 1178"><i>Results</i></th> <th data-bbox="1233 1122 1436 1178"><i>Comments</i></th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td data-bbox="443 1234 587 1290"><b>Ectodermo</b> <i>Ectoderm</i></td> <td data-bbox="587 1234 746 1290">Protein</td> <td data-bbox="746 1234 922 1290">TUJ1</td> <td data-bbox="922 1234 1233 1290">13</td> <td data-bbox="1233 1234 1436 1290">+</td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 1312 587 1368"><b>Mesodermo</b> <i>Mesoderm</i></td> <td data-bbox="587 1312 746 1368">Protein</td> <td data-bbox="746 1312 922 1368">SMA</td> <td data-bbox="922 1312 1233 1368">13</td> <td data-bbox="1233 1312 1436 1368">+</td> </tr> <tr> <td data-bbox="443 1391 587 1447"><b>Endoderm</b> <i>Endoderm</i></td> <td data-bbox="587 1391 746 1447">Protein</td> <td data-bbox="746 1391 922 1447">AFP</td> <td data-bbox="922 1391 1233 1447">13</td> <td data-bbox="1233 1391 1436 1447">+</td> </tr> </tbody> </table>	<b>Método</b>	<b>Marcador</b>	<b>Nº pase</b>	<b>Resultado</b>	<b>Comentarios</b>	<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n</i>	<i>Results</i>	<i>Comments</i>	<b>Ectodermo</b> <i>Ectoderm</i>	Protein	TUJ1	13	+	<b>Mesodermo</b> <i>Mesoderm</i>	Protein	SMA	13	+	<b>Endoderm</b> <i>Endoderm</i>	Protein	AFP	13	+																									
<b>Método</b>	<b>Marcador</b>	<b>Nº pase</b>	<b>Resultado</b>	<b>Comentarios</b>																																															
<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n</i>	<i>Results</i>	<i>Comments</i>																																															
<b>Ectodermo</b> <i>Ectoderm</i>	Protein	TUJ1	13	+																																															
<b>Mesodermo</b> <i>Mesoderm</i>	Protein	SMA	13	+																																															
<b>Endoderm</b> <i>Endoderm</i>	Protein	AFP	13	+																																															
<p><b>Descripción de las características de diferenciación <i>in vitro</i></b> <i>(espontánea/inducida)</i></p> <p><i>Description of the differentiation characteristics in vitro (spontaneous/induced)</i></p>	<p>Diferenciación in vitro espontánea. Formación de cuerpos embrionarios a partir de las células IPS. Diferenciación de los cuerpos embrionarios a las 3 capas de la línea germinal con distintos medios. Endodermo: medio con suero; mesodermo: medio con ácido ascórbico y ectodermo: medio con factores N2 y B27. La diferenciación se obtiene tras 20 días de cultivo.</p> <p>Spontaneous differentiation into the three germ layers. Embryonary bodies formation from iPSC. Differentiation into the three germ layers with different mediums. Endoderm: medium with serum. Mesoderm: medium with ascorbic acid. Ectoderm: medium with N2 and B27 factors. Differentiation is finished after 20 days.</p>																																																		

<p><b>Test de diferenciación in vivo</b> <i>In vivo differentiation test</i></p>	<table border="1"> <thead> <tr> <th data-bbox="440 152 751 219"><b>Método</b></th> <th data-bbox="751 152 911 219"><b>Marcador</b></th> <th data-bbox="911 152 1070 219"><b>Nº pase</b></th> <th data-bbox="1070 152 1442 219"><b>Resultado</b></th> </tr> <tr> <td data-bbox="440 219 751 286"><b>Comentarios</b></td> <td data-bbox="751 219 911 286"><i>Method</i></td> <td data-bbox="911 219 1070 286"><i>Marker</i></td> <td data-bbox="1070 219 1442 286"><i>Passage n</i></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 286 751 353"></td> <td data-bbox="751 286 911 353"></td> <td data-bbox="911 286 1070 353"></td> <td data-bbox="1070 286 1442 353"><i>Results</i></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 353 751 421"></td> <td data-bbox="751 353 911 421"></td> <td data-bbox="911 353 1070 421"></td> <td data-bbox="1070 353 1442 421"><i>Comments</i></td> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td data-bbox="440 421 751 488"><b>Ectodermo</b></td> <td data-bbox="751 421 911 488"></td> <td data-bbox="911 421 1070 488"></td> <td data-bbox="1070 421 1442 488"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 488 751 555"><i>Ectoderm</i></td> <td data-bbox="751 488 911 555"></td> <td data-bbox="911 488 1070 555"></td> <td data-bbox="1070 488 1442 555"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 555 751 622"><b>Mesodermo</b></td> <td data-bbox="751 555 911 622"></td> <td data-bbox="911 555 1070 622"></td> <td data-bbox="1070 555 1442 622"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 622 751 689"><i>Mesoderm</i></td> <td data-bbox="751 622 911 689"></td> <td data-bbox="911 622 1070 689"></td> <td data-bbox="1070 622 1442 689"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 689 751 757"><b>Endodermo</b></td> <td data-bbox="751 689 911 757"></td> <td data-bbox="911 689 1070 757"></td> <td data-bbox="1070 689 1442 757"></td> </tr> <tr> <td data-bbox="440 757 751 824"><i>Endoderm</i></td> <td data-bbox="751 757 911 824"></td> <td data-bbox="911 757 1070 824"></td> <td data-bbox="1070 757 1442 824"></td> </tr> </tbody> </table>	<b>Método</b>	<b>Marcador</b>	<b>Nº pase</b>	<b>Resultado</b>	<b>Comentarios</b>	<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n</i>				<i>Results</i>				<i>Comments</i>	<b>Ectodermo</b>				<i>Ectoderm</i>				<b>Mesodermo</b>				<i>Mesoderm</i>				<b>Endodermo</b>				<i>Endoderm</i>			
<b>Método</b>	<b>Marcador</b>	<b>Nº pase</b>	<b>Resultado</b>																																						
<b>Comentarios</b>	<i>Method</i>	<i>Marker</i>	<i>Passage n</i>																																						
			<i>Results</i>																																						
			<i>Comments</i>																																						
<b>Ectodermo</b>																																									
<i>Ectoderm</i>																																									
<b>Mesodermo</b>																																									
<i>Mesoderm</i>																																									
<b>Endodermo</b>																																									
<i>Endoderm</i>																																									
<p><b>Descripción de las características de diferenciación <i>in vivo</i></b> <i>Description of the differentiation characteristics in vivo</i></p>	<p>No se ha llevado a cabo por ser un ensayo que ya no es necesario.</p>																																								
<p><b>Cariotipo (especificar fórmula cariotípica y pase)</b> <i>Karyotype (Specify karyotype formula and passage)</i></p>	<p>El análisis del cariotipo se ha llevado a cabo en el Instituto de Genética Médica y Molecular (INGEMM) de La Paz. Convencional por bandas G. Fórmula cariotípica: 46XX. Pase 20</p> <p>Passage 20, karyotype 46 XX</p>																																								
<p><b>Identificación celular: Huella genética por análisis de microsatélites/STR de la línea celular</b> <i>Cell Identity: Genetic fingerprinting by microsatellite analysis / STR of the cell line</i></p>	<p>El análisis de microsatélites se realizó mediante el kit AmpFI STR Identifiler Plus PCR Amplification Kit. Y las muestras se analizaron en el parque científico de Moncloa (Madrid). Se utilizó un secuenciador Applied Biosystems (ABI3730 DNA Analyzer). La identificación celular fue positiva.</p> <p>To confirm the cell identity a DNA fingerprinting assay has been carried out using kit AmpFI STR Identifiler Plus PCR Amplification Kit.</p>																																								
<p><b>Test de integración (detallar método utilizado según tipo de reprogramación celular)</b> <i>Integration Test (specify method depending on cell reprogramming)</i></p>	<p>No se ha hecho, ya que el Virus Sendai no es integrativo.</p> <p>Genes do not integrate. A non-integrative methodology that involves the use of Sendai virus has been used.</p>																																								

<p><b>Test de silenciamiento (detallar método utilizado según tipo de reprogramación celular)</b>  <i>Silencing Test (specify method used depending on cell reprogramming)</i></p>	<p>Se analizó la eliminación de los vectores y factores de reprogramación exógenos por RT-PCR</p> <p>We confirmed the clearance of the vectors and the exogenous reprogramming factor genes by RT-PCR</p>
<p><b>Confirmación del diagnóstico genotípico en las iPSC generadas a partir de muestras con mutación genética</b>  <i>Confirmation of genotypic diagnosis of the cell line generated from samples with genetic mutation</i></p>	<p>Las mutaciones identificadas en los fibroblastos del paciente se han comprobado en las células IPS mediante secuenciación Sanger y análisis por MLPA, identificándose los mismos cambios: c.1899+4_1899+7delAGTA; p.(Cys616_Val633del) y c.1430-?_1643+?del; p.(Gly477Glufs*9)</p> <p>The presence of the mutations in the iPSC was evaluated and confirmed by Sanger sequencing and MLPA analysis: c.1899+4_1899+7delAGTA; p.(Cys616_Val633del) and c.1430-?_1643+?del; p.(Gly477Glufs*9)</p>
<p><b>Test de micoplasma</b>  <b><i>Mycoplasma Test</i></b></p>	<p>Negativo</p> <p>Negative</p>

**SECCIÓN 3      DATOS DEL DEPOSITANTE**  
*Section 3      Applicant Details*

<p><b>Investigador Principal:</b>  <i>Principal Investigator:</i>  Eva María Richard Rodríguez</p>	<p><b>Dirección Postal:</b>  <i>Postal address:</i>  C/ NICOLÁS CABRERA 1. 28049. MADRID</p>
<p><b>Centro de Trabajo:</b>  <i>Institution:</i>  UNIVERSIDAD AUTÓNOMA DE MADRID. CENTRO DE BIOLOGÍA MOLECULAR SEVERO OCHOA</p>	<p><b>Teléfono (phone):</b> 91-1964628</p> <p><b>Fax:</b></p> <p><b>E-mail:</b> erichard@cbm.csic.es</p>

## **SECCIÓN 4      INFORMACIÓN ADICIONAL (OPCIONAL)**

*Section 4      Additional information (optional)*

**Otras observaciones o información relevantes** (a juicio del Investigador Principal):

Other observations or relevant information (to the discretion of the Principal Investigator):

**Otras observaciones o información relevantes** (a rellenar por el BNLC):

Other comments or relevant information (to be completed by BNLC)

**Seguimiento de la línea** (a rellenar por el BNLC):

Follow up of the line (to be completed by BNLC)

## SECCIÓN 5 DECLARACIÓN

Confirmando que la información contenida en estos impresos es cierta y asumo total responsabilidad sobre la misma.

*I confirm that the information contained in this form is true and I assume total responsibility for it.*

<b>Firma en Representación del Centro / Signature in Representation of the Centre</b> <i>(Representante legal del Departamento/Centro)</i> <i>Legal Representative of the Department/Centre</i>	<b>Firma del Investigador Principal</b> <i>Signature of the Principal Investigator</i>
Fecha/ Date:	Fecha /Date
<b>Nombre y Cargo de la Persona Representante del Centro:</b> <i>Name and Position of the Person Representing the Centre:</i> Rafael Garesse Alarcón. Vicerrector de Investigación e Innovación	
<b>Dirección Postal:</b> <i>Postal Address:</i> Edificio del Rectorado. C/ Einstein, número 1 Ctra. Colmenar Viejo Km. 15,500 Ciudad Universitaria de Cantoblanco Universidad Autónoma de Madrid 28049 Madrid (España)	<b>Teléfono /Telephone:</b> 91 497 42 34 / 39 00 <b>Fax:</b> <b>E-mail:</b> vicerrectorado.investigacion@uam.es