

**ANEXOS A LA SOLICITUD DE DEPÓSITO DE LA LÍNEA CELULAR
GRX-MCiPS4F-A2 EN EL BANCO NACIONAL DE LÍNEAS CELULARES**

Anexo 1. Test de silenciamiento transgenes SeV por qPCR. Expresión genes endógenos de pluripotencia por qPCR.

Anexo 2. Test de fosfatasa alcalina.

Anexo3. Marcadores de pluripotencia.

Anexo 4. Diferenciación *in vitro* de la línea GRX-MCiPS4F-A2.

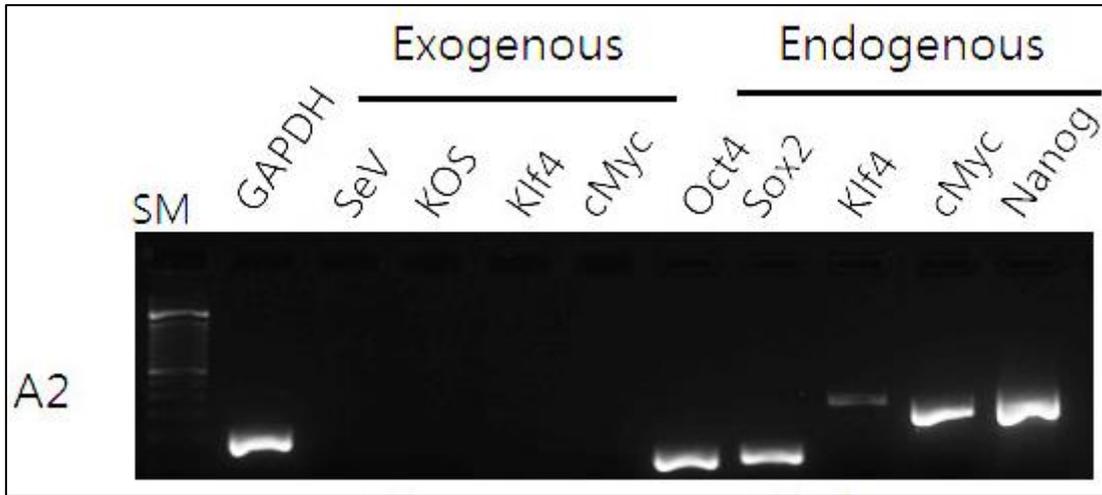
Anexo 5. Diferenciación *in vivo* de la línea GRX-MCiPS4F-A2.

Anexo 6. Cariotipo de bandas de la línea GRX-MCiPS4F-A2.

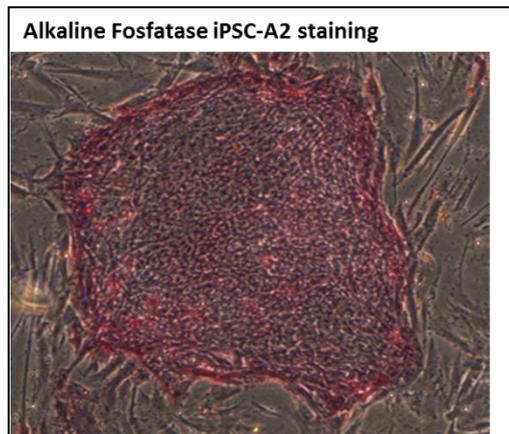
Anexo 7. Identificación celular STR de la línea GRX-MCiPS4F-A2.

Anexo 8. Test de Mycoplasma.

Anexo 1: Expresión genes endógenos de pluripotencia por qPCR. Silenciamiento transgenes virales por qPCR.

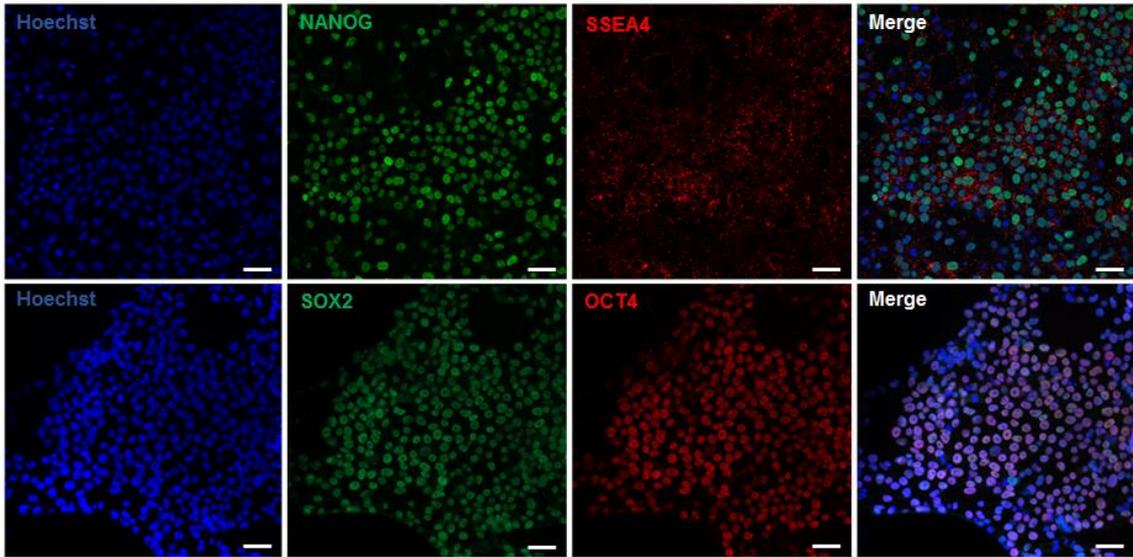


Anexo 2: Test fosfatasa alcalina.

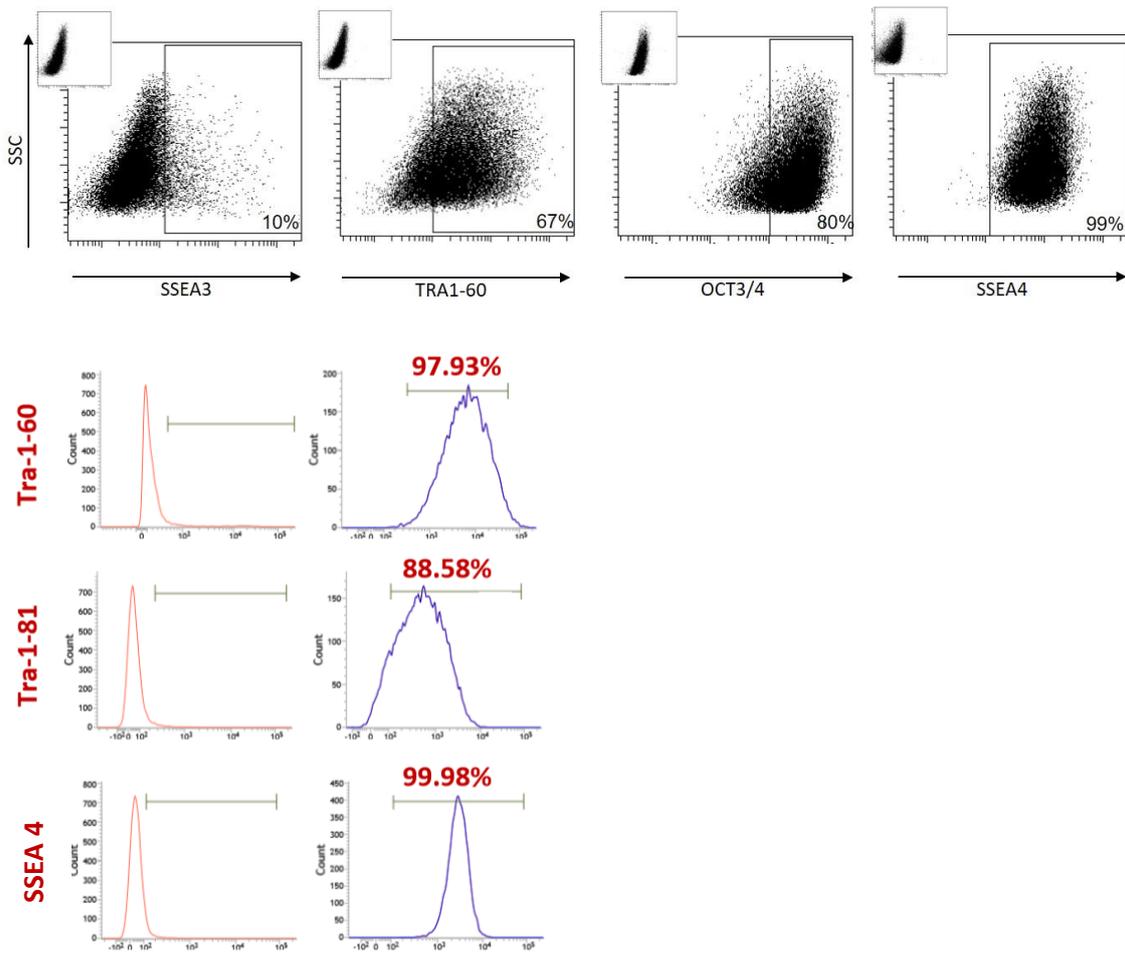


Anexo 3. Marcadores de pluripotencia de la línea GRX-MCiPS4F-A2.

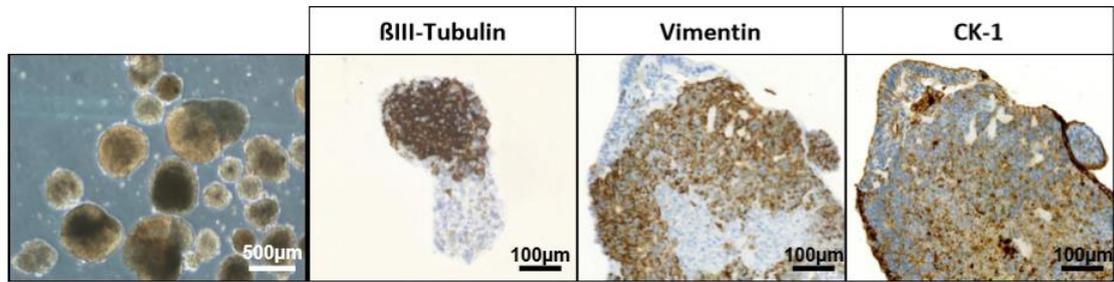
- Inmunofluorescencia.



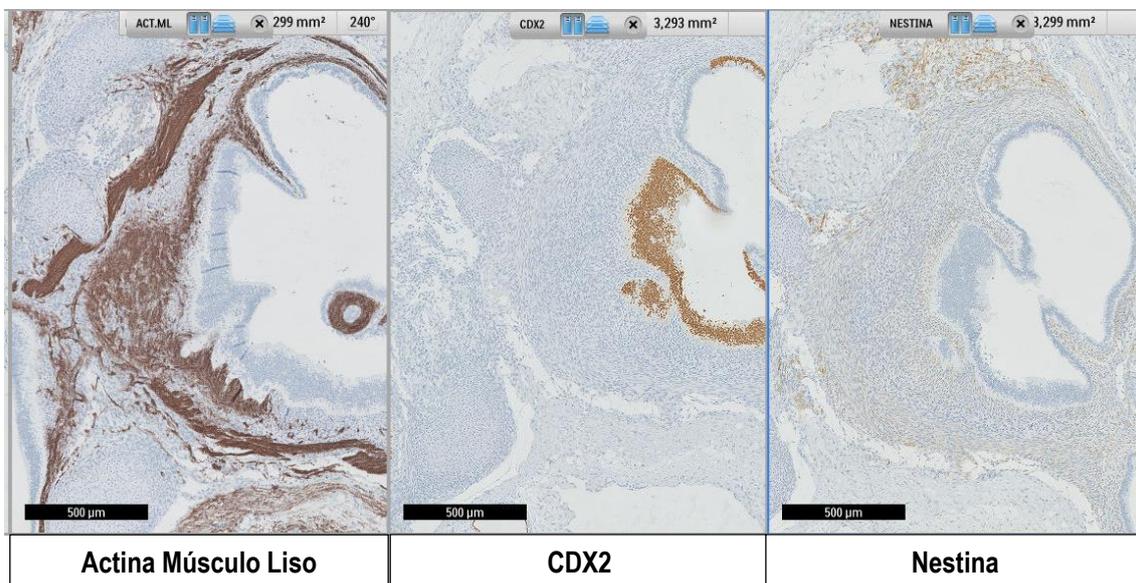
- Citometría de flujo.



Anexo 4. Diferenciación *in vitro* de la línea GRX-MCiPS4F-A2.



Anexo 5. Diferenciación *in vivo* de la línea GRX-MCiPS4F-A2.



Anexo 6. Cariotipo de la línea GRX-MCIPS4F-A2.



Biobanco del Sistema Sanitario Público de Andalucía
CONSEJERÍA DE IGUALDAD, SALUD Y POLÍTICAS SOCIALES

Parque Tecnológico Ciencias de la Salud
Centro de Investigación Biomédica
Aula del Conocimiento 5/11
18100 Armilla - Granada - Spain
biobanco.sspa@juntadeandalucia.es
www.junta.deandalucia.es/salud/biobanco

Citogenética

Código de Biobanco: 32150355022

Fecha de entrada: 11/02/2015

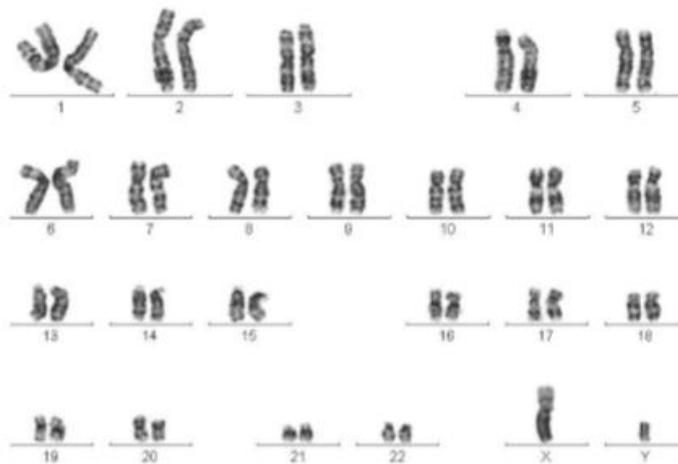
Código de Origen: A2 P23 (1y2)

Tipo de muestra:

Petición de servicio: 32150012PC01

Técnica: Bandas G

RESULTADOS ANÁLISIS CITOGENÉTICO



Cariotipo: 46,XY

Diagnóstico citogenético: Línea celular compatible con un cariotipo masculino normal

Comentarios cariotipo: El resultado del estudio está limitado por la sensibilidad de la técnica.

Purificación Catalina PhD

23/02/2015

El estudio se ha realizado según las recomendaciones publicadas por el Sistema Internacional de Nomenclatura Citogenética en su consenso de 2013.

Firmado:

Purificación Catalina PhD

Anexo 7. Identificación celular: huella genética por análisis de microsatélites-STR de la línea GRX-MCiPS4F-A2.

Marcador	PBMCs de origen	GRX-MCiPS4F-A2
D8S1179	15, 15	15, 15
D21S11	27, 30	27, 30
D7S820	9, 11	9, 11
CSF1PO	10, 12	10, 12
D3S1358	14, 15	14, 15
TH01	6, 6	6, 6
D13S317	11, 11	11, 11
D16S539	9, 15	9, 15
D2S1338	21, 22	21, 22
D19S433	12, 14	12, 14
vWA	15, 16	15, 16
TPOX	8, 11	8, 11
D18S51	14, 16	14, 16
AMEL	X, Y	X, Y
D5S818	10, 12	10, 12
FGA	20, 23	20, 23

Anexo 8: Test de Mycoplasma.



RESULTADO DEL TESTADO DE MYCOPLASMA MENSUAL DE LAS LÍNEAS CELULARES DE LA UNIDAD DE CULTIVOS DEL CENTRO GENYO

LABORATORIO 19	SALA DE CULTIVOS 0	IDENTIFICACIÓN MUESTRA	RESULTADO (CT) ESPECIES MIX	RESULTADO (CT) M. PNEUMONIAE	RESULTADO (CT) A.LAIDLAWII
		CO-L19-A2	-	-	-

La detección de contaminación por mycoplasma se ha realizado mediante qPCR en la Unidad de Genómica y Genotipado de GENyO.

Kit comercial:

Venor GeM-qEP

Mycoplasma Detection Kit for qPCR

Version 1.2

Minerva Biolabs

Este kit detecta la siguiente variedad de especies:

Detectable species:

<i>A. laidlawii*</i>	<i>M. cloacale</i>	<i>M. glycyphilum</i>	<i>M. pneumoniae*</i>
<i>M. agalactiae</i>	<i>M. collis</i>	<i>M. gypis</i>	<i>M. pulmonis</i>
<i>M. agassizii</i>	<i>M. columbinasale</i>	<i>M. hominis</i>	<i>M. salivarium</i>
<i>M. alkalescens</i>	<i>M. columbinum</i>	<i>M. hyopharyngis</i>	<i>M. simbae</i>
<i>M. anseris</i>	<i>M. columborale</i>	<i>M. hyorhinis</i>	<i>M. sp.ovine/caprine</i>
<i>M. arginini</i>	<i>M. cricetuli</i>	<i>M. hyosynoviae</i>	<i>M. spermatophilum</i>
<i>M. arthritis</i>	<i>M. cynos</i>	<i>M. iguanae</i>	<i>M. sphenisci</i>
<i>M. bovirhinis</i>	<i>M. edwardii</i>	<i>M. indiense</i>	<i>M. spumans</i>
<i>M. bovis</i>	<i>M. equirhinis</i>	<i>M. iners</i>	<i>M. sualvi</i>
<i>M. buccale</i>	<i>M. falconis</i>	<i>M. lagogenitalium</i>	<i>M. subdolum</i>
<i>M. buteonis</i>	<i>M. faucium</i>	<i>M. lipofaciens</i>	<i>M. synoviae</i>
<i>M. californicum</i>	<i>M. felifaucium</i>	<i>M. lipophilum</i>	<i>M. testudineum</i>
<i>M. canadense</i>	<i>M. fermentans</i>	<i>M. maculosum</i>	<i>M. timone</i>
<i>M. capricolum</i>	<i>M. gallinaceum</i>	<i>M. meleagridis</i>	<i>M. turnidae</i>
<i>M. caviae</i>	<i>M. gallinarum</i>	<i>M. moatsii</i>	<i>M. verecundum</i>
<i>M. citelli</i>	<i>M. gallopavonis</i>	<i>M. opalescens</i>	<i>M. zaiophi</i>
	<i>M. gateae</i>	<i>M. orale</i>	

*Detection with A.I Mix / Mp Mix