

Anexos asociados a solicitud de depósito en el Banco Nacional de Líneas Celulares de la línea:

CT ADF1-iPS3F6 (nombre alternativo equivalente **ADF1-iPS3F6**)

Anexo 1: Caracterización marcadores de pluripotencia y diferenciación. Cariotipo bandeado-G.

Anexo 2: Resultados del test de silenciamiento de transgenes pMX mediante RT-PCR

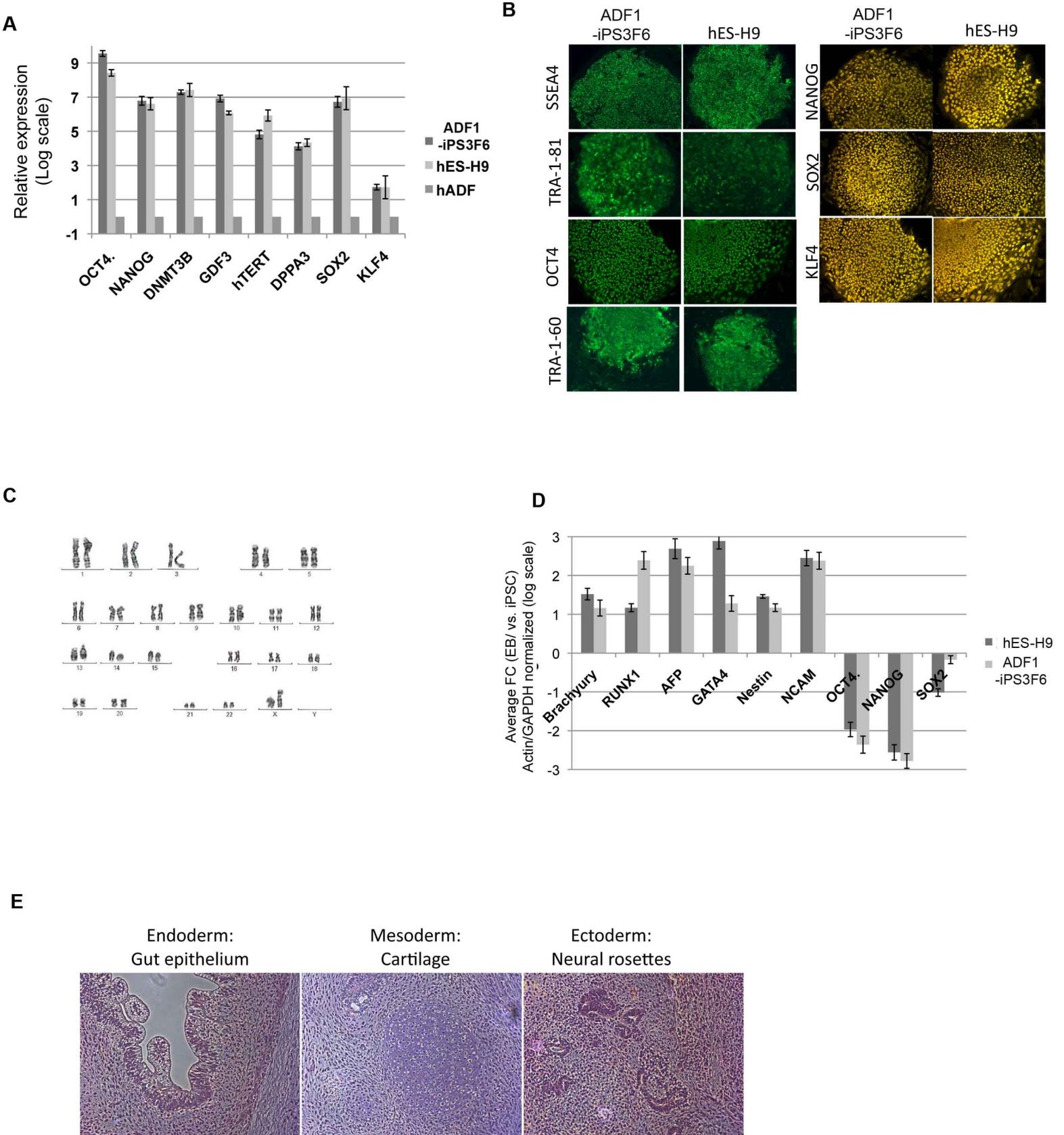
Anexo 3: Resultados test de micoplasma

Anexo 4: Huella genética

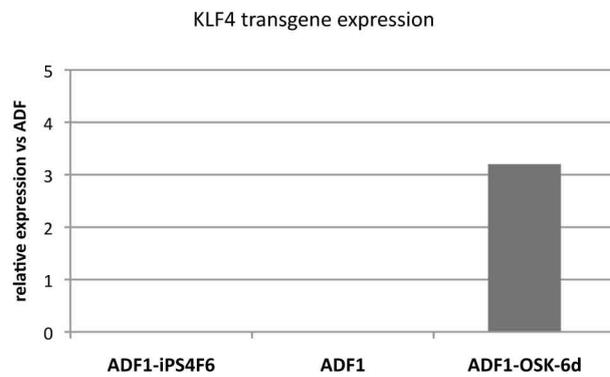
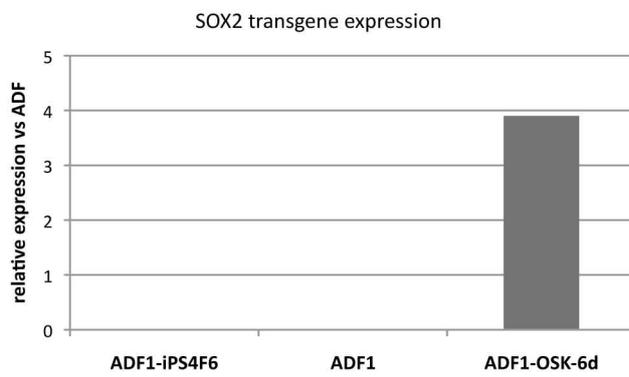
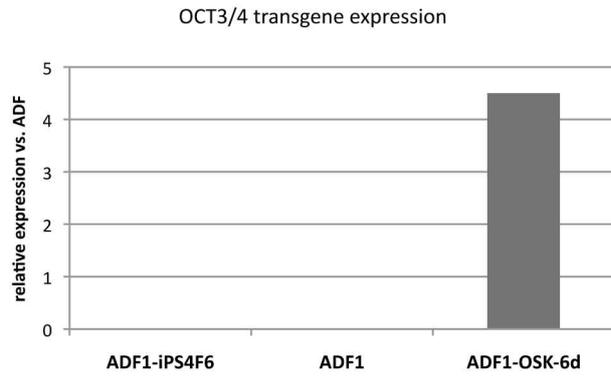
Anexo 5: Test de integración

Anexo 1: Caracterización marcadores de pluripotencia y diferenciación

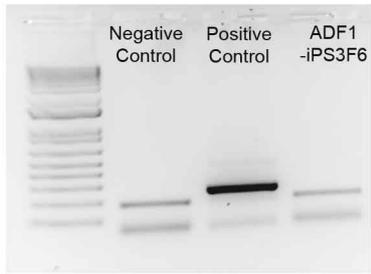
(Publicado en: Fernández-Muñoz B, Rosell-Valle C, Ferrari D, et al. Retrieval of germinal zone neural stem cells from the cerebrospinal fluid of premature infants with intraventricular hemorrhage. STEM CELLS Transl Med. 2020; 1–17. <https://doi.org/10.1002/sctm.19-0323>)



Anexo 2: Resultados del test de silenciamiento de transgenes pMXs mediante RT-PCR
(cebadores de Takahashi, K., Tanabe, J., Ohnuki, M. et al. (2007).
Induction of pluripotent stem cells from adult human fibroblasts by defined factor.
Cell. 131(5), 861-872.DOI: 10.1016/j.cell.2007.11.019)



Anexo 3: Resultados test de micoplasma
(PCR. Kit Venor®GeM Minerva biolabs)





Junta de Andalucía

Consejería de Salud y Familias

BIOBANCO DEL SISTEMA SANITARIO PÚBLICO
DE ANDALUCÍA

ANEXO 4:

INFORME TÉCNICO

LABORATORIO:

EXTRACCIÓN DE ÁCIDOS NUCLEICOS Y BIOLOGÍA MOLECULAR

SOLICITUD / PETICIÓN DE SERVICIO:

S2100049. PROCEDENTE DE CULTIVOS.

BIORRECURSO:

HUELLA GENÉTICA (10 STRs).

CT ADF1-iPS3F6

PROCESAMIENTO REALIZADO

La caracterización de las muestras se lleva a cabo mediante el análisis genético de 10 marcadores STRs: TH01, TPOX, vWA, Amelogenina (marcador sexual), CSF1PO, D16S539, D7S820, D13S317, D5S818 y D21S11. Para ello se usa el kit GenePrint 10 (Promega). Para la amplificación se utilizaron 5 ng de ADN. Una vez amplificadas las muestras mediante el procedimiento descrito en el kit, fueron cargadas en el analizador de fragmentos Applied Biosystem 3130 Genetic (Genyo), para ser finalmente analizadas con el Software GeneMapper V3.2.



Junta de Andalucía

Consejería de Salud y Familias

BIOBANCO DEL SISTEMA SANITARIO PÚBLICO
DE ANDALUCÍA

RESULTADOS

Código biobanco	Código origen del ADN de la línea celular	TH01	D21S11	D5S818	D13S317	D7S820	D16S539	CSP1PO	AMEL	vWA	TPOX
INVN02521A658ADNA115	ADNg de la muestra somática original	6, 9	29	11, 13	11, 12	9, 13	11, 12	11	X, X	17, 18	10, 11
INVN02521A658ADNA118	CT ADF1- iPS3F6-fin	6, 9	29	11, 13	11, 12	9, 13	11, 12	11	X, X	17, 18	10, 11

Los resultados son coincidentes entre las muestras de diferentes pases correspondientes a las muestras INVN02521A658ADNA115, y INVN02521A658ADNA118. Además, son coincidentes con los análisis previos realizados sobre esta línea INVN02521A658.

Anexo 5: ADF1-iPS3F6 (nombre alternativo CT ADF1-iPS3F6)

Análisis gPCR mostrando las integraciones genómicas de los genes utilizados para generar la línea

Panel OCT4: carril 2 control negativo (línea somática original sin transducir)
Carril 3: control positivo (línea somática original transducida con vector pMX-OCT4)
Carril 4: ADF1-iPS3F6

Panel Sox2. carril 3 control negativo (línea somática original sin transducir)
Carril 4: control positivo (línea somática original transducida con vector pMX-Sox2)
Carril 5: ADF1-iPS3F6

Panel Klf4. carril 3 control negativo (línea somática original sin transducir)
Carril 4: control positivo (línea somática original transducida con vector pMX-Klf4)
Carril 5: ADF1-iPS3F6

